

Revista UNILUS Ensino e Pesquisa v. 17, n. 46, jan./mar. 2020 ISSN 2318-2083 (eletrônico)

PAOLO RUGGERO ERRANTE

Universidade de São Paulo, USP, São Paulo, SP, Brasil; Universidade Federal de São Paulo, UNIFESP, São Paulo, SP, Brasil.

> Recebido em fevereiro de 2020. Aprovado em agosto de 2020.

SINALIZAÇÃO INTRACELULAR DE CÉLULAS CONTRÁTEIS EXCITAVEIS MEDIADAS PELO CA2+ NA HOMEOSTASE E NA DOENÇA

RESUMO

Introducão: O sistema cardiovascular faz com que o sangue circule e transporte oxigênio e nutrientes para o corpo através da contração das células cardíacas. Durante este processo, inúmeros eventos de sinalização intracelular envolvem a participação do Ca2+. Metodologia: A revisão foi realizada por base de dados bibliográficos obtidos através da pesquisa em LILACS, MEDLINE e PubMed. Resultados: A concentração citoplasmática basal de Ca2+ é regulada por canais de Ca2+, ATPases, transportadores e proteínas de ligação do Ca2+. A entrada de Ca2+ promove a liberação de mais Ca2+ do retículo sarcoplasmático por meio dos receptores de rianodina, que se ligam a troponina C causando o movimento da tropomiosina e exposição do sítio receptor da miosina, permitindo a ligação com a actina e contração celular. Para que ocorra o relaxamento celular, o Ca2+ precisa ser removido do citosol por recaptação pela isoforma cardíaca do retículo sarcoplásmico Ca2+-ATPase; extrusão pelo canal trocador Na+/Ca2+; ação da Ca2+ ATPase da membrana plasmática e recaptação mitocondrial de Ca2+. Alterações nestes mecanismos levam a reativação de genes expressos durante a vida fetal, contribuindo para o processo de hipertrofia cardíaca. Conclusão: A manutenção destes mecanismos de sinalização com a participação do Ca2+ são fundamentais para a homeostase das células cardíacas, e alterações neste processo podem levar a sobrecarga funcional e hipertrofia das células cardíacas.

Palavras-Chave: coração; células contráteis excitáveis; sistema acoplamento excitação-contração; ca2+; hipertrofia.

INTRACELLULAR SIGNALING OF EXCITABLE CONTRACTILE CELLS MEDIATED BY CA2+ IN HOMEOSTASIS AND DISEASE

ABSTRACT

Introduction: The cardiovascular system sends blood and transport oxygen and nutrients to the body through the contraction of cardiac cells. During this process, numerous intracellular signaling events involve the participation of Ca2+. Methodology: The review was carried out using bibliographic databases obtained through research in LILACS, MEDLINE and PubMed. Results: The basal cytoplasmic Ca2+ concentration is regulated by Ca2+ channels, ATPases, transporters and Ca2+ binding proteins. The entry of Ca2+ promotes the release of more Ca2+ from the sarcoplasmic reticulum through the ryanodine receptors, which bind to troponin C causing the movement of tropomyosin and exposure of the myosin receptor site, allowing binding with actin and cell contraction. For cell relaxation to occur, Ca2+ needs to be removed from the cytosol with reuptake by the cardiac isoform of the sarcoplasmic reticulum Ca2+-ATPase; extrusion through the Na+/Ca2+ exchanger channel; action of plasma membrane Ca2+ ATPase and mitochondrial Ca2+ reuptake. Changes in these mechanisms lead to reactivation of genes expressed during fetal life, contributing to the process of cardiac hypertrophy. Conclusion: The maintenance of these signaling mechanisms with the participation of Ca2+ is fundamental for the homeostasis of cardiac cells, and changes in this process can lead to functional overload and hypertrophy of cardiac cells.

Keywords: heart; excitable contractile cells; excitation-contraction coupling system; ca2+; hypertrophy.

Revista UNILUS Ensino e Pesquisa

Rua Dr. Armando de Salles Oliveira, 150 Boqueirão - Santos - São Paulo 11050-071

http://revista.lusiada.br/index.php/ruep
revista.unilus@lusiada.br

Fone: +55 (13) 3202-4100



A sinalização celular faz parte do processo de comunicação que regula a capacidade de resposta a estímulos internos e externos, sendo classificada com base no tipo do sinal como mecânico quando são exercidas forças mecânicas na célula; e bioquímico, que pode ser desencadeado por diferentes moléculas que entram em contato com a superfície celular (WANG et al., 2017). Para as células cardíacas diferentes íons, moléculas, receptores e vias de sinalização estão envolvidos na homeostase, função contrátil e sobrevivência. Em condições fisiológicas a contração dos cardiomiócitos é dependente da sincronização do influxo e efluxo transmembrana de cálcio (Ca2+), que regula o mecanismo de acoplamento excitação-contração do músculo cardíaco, força de contração muscular cardíaca e o ritmo cardíaco (KHO, LEE, HAJJAR, 2012).

A concentração citoplasmática basal de Ca2+ é regulada por canais de Ca2+, ATPases, transportadores e proteínas de ligação do Ca2+. Para que o Ca2+ entre no interior das células cardíacas, ocorre um potencial de ação que despolariza o sarcolema, permitindo que o Ca2+ se difunda do meio extracelular para o intracelular através dos canais dependentes de Ca2+ do tipo-L. A entrada de Ca2+ promove a liberação de mais Ca2+ do retículo sarcoplasmático por meio dos receptores de rianodina, que se ligam a troponina C causando o movimento da tropomiosina e exposição do sítio receptor da miosina, permitindo a ligação com a actina e contração celular. Para que ocorra o relaxamento celular, o Ca2+ precisam ser removido do citosol por quatro diferentes processos: 1) recaptação pela isoforma cardíaca do retículo sarcoplásmico Ca2+-ATPase (SERCA), sendo a isoforma SERCA2a responsável pela recaptação do Ca2+ no coração (TADA, KATZ, 1982); 2) extrusão pelo canal trocador Na+/Ca2+ (SHATTOCK et al., 2015); 3) ação da Ca2+ ATPase da membrana plasmática (BRINI et al., 2013); e 4) recaptação mitocondrial de Ca2+ (Figura 1) (MISHRA et al., 2017).

Sarcolema

PMCA

TNC

SR

Ca2+

RyR

Ca2+

PLB SERCA

PLB SERCA

PLB SERCA

PLB SERCA

TNC

TNH

TNC

TNH

Cyto

H'

Actina

2Na

H'

TNC

TNH

Cyto

H'

Actina

Actina

Sistole

Ativação cooperativa

Figura 1. Sincronismo do influxo transmembrana e efluxo de Ca2+ nas células cardíacas.

O influxo de Ca2+ estimula a liberação de Ca2+ do retículo sarcoplasmático (SR) através do canal de rianodina (RyR). O Ca2+ se liga a troponina C e promove a interação da troponina C com a troponina I, fazendo com que a troponina I se mova do local ativo da actina, deslocamento da tropomiosina, troponina T e contração muscular. Após a contração, o Ca2+ é transportado pelo SERCA para o SR. O trocador mitocondrial de Na+/Ca2+ (mTNC) transporta o Ca2+ para a matriz mitocondrial pelo uniporter mitocondrial (MU) e da matriz para o citosol. O Na+ é transportado para fora das mitocôndrias pela bomba Na+/H+ (TNH). O aumento da concentração de Ca2+ na matriz mitocondrial ativa desidrogenases que geram espécies reduzidas (NADH) para estimular a síntese de ATP. O gradiente de potencial estabelecido pelas mitocôndrias é mantido através do poro de transição da permeabilidade mitocondrial (MPTP).

Fonte: Caricati-Neto et al., 2019.

ACOPLAMENTO EXCITAÇÃO-CONTRAÇÃO DAS CÉLULAS CARDÍACAS

O evento que ocorre a partir da despolarização do sarcolema e a liberação de Ca2+ do retículo sarcoplasmático é chamado de acoplamento excitação-contração, que se inicia com a propagação do potencial de ação pelo sarcolema e ao longo do túbulo transverso, e termina com a liberação de Ca2+ do retículo sarcoplasmático. A membrana da cisterna terminal do retículo sarcoplasmático possui um canal de Ca2+ denominado receptor de rianodina (RyR), onde ocorre a liberação de Ca2+ do retículo sarcoplasmático para o citosol (DULHUNTY, 2006).

Os canais de Ca2+ tipo-L localizados no sarcolema e nos túbulos-T são canais de voltagem sensíveis a íons que se abrem em resposta a despolarização permitindo o influxo de Ca2+ a favor do seu gradiente eletroquímico. O influxo de Ca2+ leva a liberação de Ca2+ induzido pela ligação de Ca2+ ao RyR onde uma pequena quantidade de Ca2+ do meio extracelular desencadeia a liberação maciça de Ca2+ do retículo sarcoplasmático para o citosol causando contração de células cardíacas. O mecanismo de liberação de Ca2+ induzido pelo Ca2+ envolve o canal trocador de Na+/Ca2+ no sarcolema,

que transporta uma molécula de Ca2+ através do sarcolema acoplado com movimento recíproco de três moléculas de Na+ (BERS, 2008).

Em repouso ou diástole, o trocador usa o gradiente eletroquímico de Na+ e remove o Ca2+ para o meio extracelular. Durante a despolarização, o gradiente eletroquímico para o Na+ é reduzido, e quando o potencial transmembrana atinge valores abaixo de -20 mV, o canal trocador de Na+/Ca2+ funciona da maneira inversa, ocorrendo influxo de Ca2+ e efluxo de Na+. No modo reverso, o canal trocador de Na+/Ca2+ auxilia no processo de liberação de Ca2+ induzida pelo Ca2+. No modo direto, esse sistema induz o relaxamento muscular pela remoção de Ca2+ intracelular (REN, PHILIPSON, 2013).

Na membrana do retículo sarcoplasmático está localizada a bomba de Ca2+-ATPase (SERCA) que transporta o Ca2+ para o retículo sarcoplasmático, importante para o processo de relaxamento muscular, que ocorre pela diminuição da concentração de Ca2+ citosólico com recaptação de Ca2+ no retículo sarcoplasmático pela SERCA e pela extrusão de Ca2+ pelo canal trocador Na+/Ca2+, Ca2+-ATPase sarcolemal e uniporter mitocondrial (PERIASAMY, BHUPATHY, BABU, 2008).

A atividade da SERCA é regulada pela fosfolambam, que impede a recaptação de Ca2+ pela SERCA. A fosforilação do fosfolamban pela proteína quinase A (PKA) ou proteína quinase II dependente de Ca2+/calmodulina (CaMKII) causa redução da expressão de fosfolambam e ativação da SERCA com recaptação de Ca2+ pelo retículo sarcoplasmático. Isto causa aumento na força de contração e velocidade de relaxamento do músculo cardíaco (BHUPATHY, BABU, PERIASAMY, 2007).

O Ca2+ liberado liga-se ao seu sítio na subunidade C da troponina e ativa a contração, induzindo o movimento da tropomiosina em direção ao sulco do filamento fino com a exposição do sítio de ligação da miosina. O resultado é a formação de pontes cruzadas e geração de tensão e/ou encurtamento do sarcômero. Existem quatro sítios de ligação do Ca2+ na troponina C. Dois desses sítios têm alta afinidade pelo Ca2+ e estão envolvidos no controle e aumento da interação entre as subunidades troponina I e troponina T. Os outros dois sítios têm baixa afinidade pelo Ca2+, sendo ocupados quando a concentração intracelular de Ca2+ é elevada pela liberação do retículo sarcoplasmático (GRABAREK, 2005).

SINALIZAÇÃO INTRACELULAR NA CÉLULA CARDÍACA MEDIADA PELO Ca2+

O Ca2+ atua como mensageiro intracelular por possuir forte e específica ligação ao receptor, além de possuir um raio atômico que lhe confere uma geometria ideal para a ligação de proteínas. O Ca2+ desempenha um papel importante na geração e modulação da atividade elétrica e regulação da contração do músculo cardíaco. Esse papel é mediado pelos RYR; canais de Ca2+ dependentes de voltagem; trocador Na+/Ca2+; Ca2+-ATPase do sarcolema (SERCA) e canais de Ca2+; canais de Ca2+ dependentes de Ca2+; proteína G; uniportador mitocondrial; nucleotideos cíclicos; receptores de 1,4,5-trisfosfato de inositol (IP3) e purinas (DECROCK et al., 2017).

Receptores de rianodina

Os receptores de rianodina (RyR) estão localizados na membrana do retículo sarcoplasmático e amplificam os sinais mediados pelo Ca2+, liberando o Ca2+ mitocondrial. Nos mamíferos existem três isoformas de RyR, RYR1, RYR2 e RYR3. O RYR1 é a isoforma presente no músculo esquelético, com papel no sistema de acoplamento excitação-contração; a isoforma RYR2 está presente nas células cardíacas e permite a liberação de Ca2+ induzida pelo Ca2+ (CICR), importante para o processo de contração regulado pela proteína quinase A (PKA). A isoforma RYR3 é expressa no diafragma e cérebro (ABU-OMAR et al., 2018). Quando ativado, o RyR permite a saída do Ca2+ armazenado no retículo sarcoplasmático para o citoplasma, causando a contração da célula cardíaca. O principal ativador do RyR é o Ca2+ proveniente da abertura dos canais de Ca2+ tipo le

durante a despolarização. Os RyR são modulados por proteínas que aumentam ou diminuem sua abertura. A calestabina é essencial para manter o receptor no estado fechado, e as proteínas quinase A e CaMKII aumentam sua abertura (PETROU et al., 2017).

Canais de Ca2+ dependentes de voltagem

Os canais de Ca2+ dependentes de voltagem pertencem a uma família de canais seletivos para íons dependentes de voltagem. O canal de Ca2+ dependente de voltagem contém um sensor de voltagem formado por quatro subunidades ou domínios internos repetidos (I-IV). Cada domínio contém seis regiões transmembranares (S1-S6) em disposição α -hélice. O domínio I é responsável pela ativação do canal e a região S4 faz parte do sensor de tensão. Os domínios localizados entre as regiões S5 e S6 constituem o poro do canal. As subunidades alfa-1 (α 1) dos canais de Ca2+ dependentes de voltagem têm uma localização transmembrana e constituem o canal de voltagem e poro seletivo para o Ca2+, sendo o subtipo α 1C (CACNA1C; tipo L) encontrado no coração (ALMAGOR et al., 2012).

Os canais de Ca2+ possuem resíduos de glutamato com cadeias laterais de carboxila que atingem o lúmen do poro e bloqueiam o fluxo de Na+, mas permitem o fluxo de Ca2+ controlado pelo potencial elétrico transmembrana. Existem seis tipos de canais de Ca2+ dependentes da voltagem: -L, -N, -P, -Q, -R e -T. O principal papel deste canal é realizar o processo de acoplamento excitação/contração, permitindo a entrada do Ca2+ extracelular para o sarcoplasma, estimulando a contração celular pela fixação do Ca2+ a troponina C (CHRISTEL, LEE, 2012).

O canal de Ca2+ tipo L é um canal sensível a mudanças de voltagem. Nos ventrículos e átrios este canal está presente em grande concentração na membrana dos túbulos-T. O canal de Ca2+ tipo L participa da fase de platô do potencial de ação e desempenha um papel primário no acoplamento excitação-contração. Quando um potencial de ação é gerado no cardiomiócito, uma onda de despolarização se propaga através da membrana plasmática e túbulos-T. Ao atingir os canais de Ca2+ tipo L, ocorre abertura do canal, permitindo a entrada de Ca2+ na célula. O influxo de Ca2+ através desse canal inicia a liberação de mais Ca2+ do retículo sarcoplasmático para o citoplasma, levando a contração muscular (MALAN, FLEISCHMANN, 2012).

Os canais de Ca2+ do tipo T estão localizados no sistema nervoso, coração e músculo liso; são ativados por despolarização próxima ao potencial de repouso, e estão associados a ação potencial rítmica das células cardíacas e neurônios. Os canais Ca2+ do tipo -N, -P, -Q e -R são ativados por despolarização, sendo responsáveis pela liberação de neurotransmissores a partir do terminal pré-sináptico (PEERS, ELIES, GAMPER. 2015).

Trocador Na+/Ca2+

O trocador Na+/Ca2+ está localizado na membrana plasmática tem a função de remover o Ca2+ intracelular, auxiliando no processo de relaxamento dos cardiomiócitos (LIAO et al., 2012).

O trocador Na+/Ca2+ remove uma molécula de Ca2+ em troca de três moléculas de Na+ para gerar uma corrente despolarizante. Como o transporte é eletrogênico, a despolarização da membrana pode reverter a direção do trocador, o que contribui para aumento da quantidade do Ca2+ intracelular na fase inicial do platô. Com a repolarização, o Ca2+ é removido da célula. O trocador Na+/Ca2+ contribui para o processo de contração e auxilia no processo de relaxamento dos cardiomiócitos. Quando os níveis intracelulares de Na+ estão aumentados ou o nível extracelular se encontra diminuído, o trocador Na+/Ca2+ transporta o Ca2+ de modo reverso (REN, PHILIPSON, 2013).

Retículo sarcoplasmático Ca2+-ATPase

O retículo sarcoplasmático Ca2+-ATPase (SERCA) é uma bomba de Ca2+ dependente de ATP localizada na membrana do retículo sarcoplasmático. A taxa de recaptação do Ca2+ pela SERCA determina a taxa de relaxamento do músculo cardíaco, sendo a atividade da SERCA regulada pelo fosfolambam, uma fosfoproteína expressa nas células dos ventrículos cardíacos (SATO, SHANNON, BERS, 2016). A fosforilação do fosfolamban pela proteína quinase A (PKA) ou proteína quinase II dependente de Ca2+/calmodulina (CaMKII) aumenta a atividade da SERCA, aumentando a recaptação de Ca2+ no retículo sarcoplasmático e o processo de acoplamento excitação-contração das células cardíacas (BHUPATHY, BABU, PERIASAMY, 2007).

O SERCA possui duas isoformas, SERCA2a e SERCA2b. A SERCA2a é a isoforma mais abundante no tecido cardíaco, e transporta o Ca2+ citoplasmático para o retículo sarcoplasmático, causando relaxamento muscular, ao passo que a SERCA2b está presente no músculo liso e no tecido dérmico (SATO, SHANNON, BERS, 2016).

Proteína G

As proteínas G são um grupo de proteínas ativadas por estímulos extracelulares que promovem a transdução intracelular de sinal e ativam enzimas amplificadoras ou canais iônicos. A família de proteínas G possui os membros Gs (estimulam a adenilato ciclase pelos receptores beta-adrenérgicos e aumentam a condutância do Ca2+ no coração); Gi (inibem a adenilato ciclase pelos receptores alfa-2 adrenérgicos); Gt; e Go (controlam os canais de Ca2+); Gk (regulam os canais de K+); e Gp (regulam fosfolipases) (COPENHAVER, KÖGEL, 2017).

Todas as proteínas G são compostas por três subunidades, alfa (α), beta (β) e gama (γ), e as isoformas das proteínas G são classificadas em função da subunidade α em Gs, Gi e Gq. A isoforma Gs estimula o aumento da síntese de adenilil ciclase e AMPc; a isoforma Gi estimula a diminuição da síntese de adenilato ciclase, AMPc e a freqüência cardíaca quando os canais de K+ do músculo cardíaco estão abertos; e a isoforma Gq promove o aumento dos níveis citoplasmáticos de fosfolipase C, IP3, diacilglicerol e Ca2+ (ZHANG, SCOUMANNE, CHEN, 2010).

A proteína G pode ativar a fosfolipase C liberando 1,4,5-trifosfato de fosfatidilinositol (IP3) e diacilglicerol (DAG). O IP3 promove a liberação do Ca2+intracelular com ativação do complexo Ca2+/calmodulina, e o DAG aumenta a afinidade do Ca2+ pela proteína quinase C (PKC) (COPENHAVER, KÖGEL, 2017). Outro sistema de sinalização inclui a guanilato ciclase monofosfato cíclico (GMPc) e óxido nítrico (NO). O GMPc atua como segundo mensageiro associado ao relaxamento do músculo liso, e o NO está envolvido no processo de dilatação da parede dos vasos sanguíneos (SMILJIC, NESROROVIC, SAVIC, 2014).

Receptor sensor de Ca2+ extracelular

O receptor sensor de Ca2+ extracelular é um receptor acoplado a proteína G que pertence a uma subfamília de receptores acoplados a proteína G. A ativação do receptor sensor de Ca2+ extracelular causa inibição da adenilato ciclase, diminuição da concentração do AMPc e ativação da fosfolipase C, formando DAG e IP3. O DAG ativa a PKC, levando a inibição da SERCA2b, e o IP3 liga-se aos receptores de membrana do retículo sarcoplasmático, induzindo a liberação de Ca2+. Distúrbios genéticos que envolvem o receptor extracelular de detecção de Ca2+ levam a hipercalcemia hipocalciúrica familiar, hiperparatireoidismo grave neonatal e hipocalcemia autossômica dominante (HAUACHE, 2001).

Unipoter mitocondrial

Na matriz mitocondrial o Ca2+ é capaz de formar precipitados inativos com o fosfato, fazendo com que essa organela acumule grande quantidade de Ca2+. A captação excessiva do Ca2+ mitocondrial e o estresse oxidativo podem levar a permeabilização mitocondrial não seletiva ou transição de permeabilidade, com abertura de um poro localizado na membrana mitocondrial interna. O Ca2+ requer que os transportadores sejam capturados e liberados pelas mitocôndrias em um processo dependente de energia, que utiliza os canais iônicos dependentes de voltagem localizados na membrana mitocondrial externa. Uma vez no espaço intermembranar o Ca2+ é capturado pelas mitocôndrias pelo sistema de transporte de Ca2+ (uniporter mitocondrial) e liberado da matriz mitocondrial pelo trocador Na+/Ca2+ (KAMER, MOOTHA, 2015).

Receptores IP3

O IP3 juntamente com o DAG atuam na transdução do sinal intracelular, sendo formado pela hidrólise do fosfatidilinositol bifosfato (PIP2) pela fosfolipase C. Sua principal função é a mobilização do Ca2+ das organelas onde o Ca2+ é armazenado. Nas células musculares, o IP3 se liga e ativa o receptor IP3 na membrana do retículo sarcoplasmático abrindo os canais de Ca2+ liberando Ca2+ no interior do sarcoplasma. Esse aumento nos níveis de Ca2+ ativa o canal operado pelo RYR no retículo sarcoplasmático, levando ao aumento progressivo da concentração intracelular de Ca2+ (HOHENDANNER, MAXWELL, BLATTER, 2015).

HIPERTROFIA CARDÍACA

Os cardiomiócitos representam 85% da massa cardíaca total e são células contráteis com o citoplasma preenchidas por feixes de miofibrilas com miofilamentos organizados em unidades básicas contráteis, os sarcômeros. Os cardiomiócitos tornam-se terminalmente diferenciados logo após o nascimento, perdendo sua capacidade de proliferar (BERNARDO et al., 2010). Durante a vida fetal, forças hemodinâmicas e fatores presentes na corrente sanguínea regulam a proliferação de cardiomiócitos, como apressão arterial (GIRAUD et al., 2005), angiotensina II (SUNDGREN et al., 2003), cortisol (GIRAUD et al., 2006) e o fator de crescimento insulínico 1 (SUNDGREN et al., 2003).

As forças e fatores que suprimem a proliferação de cardiomiócitos incluem o hormônio tireoidiano triiodotironina (T3) (CHATTERGOON et al., 2012), peptídeo natriurético atrial (O'TIERNEY et al., 2010a) e a redução da carga sistólica (O'TIERNEY et al., 2010b). Na fase perinatal, o crescimento do músculo cardíaco é limitado pela supressão da atividade mitótica dos cardiomiócitos (THORNBURG et al., 2011), e na infância o coração cresce em tamanho para atender as demandas de oxigênio sem capacidade de gerar novas células (BERGMANN et al., 2010). Em adultos, o turnover dos cardiomiócitos é limitado pelas próprias células cardíacas e por outras populações residentes de tecido cardíaco (KAJSTURA et al., 2010).

Em situações de sobrecarga cardiovascular o coração é capaz de aumentar de tamanho, e conforme o estímulo, pode ocorrer hipertrofia cardíaca reduzindo a força do estresse hemodinâmico. O aumento da massa cardíaca ocorre principalmente pela hipertrofia individual dos cardiomiócitos, embora ocorra proliferação de fibroblastos, atividade de células progenitoras de cardiomiócitos e renovação celular (MAILLET, VAN BERLO, MOLKENTIN, 2013).

A hipertrofia cardíaca representa um processo adaptativo do coração em resposta ao aumento da atividade ou sobrecarga funcional com aumento da atividade metabólica. A hipertrofia leva a reativação de genes expressos no período fetal e a estimulação de sua tradução, com alteração da síntese de proteínas contráteis da unidade sarcomérica e do volume celular (MILL, VASSALLO, 2001). A hipertrofia cardíaca é uma

alteração celular adaptativa de natureza fisiológica ou patológica. A hipertrofia cardíaca fisiológica promove o crescimento normal do coração desde o nascimento até a vida pós-natal, ao passo que a hipertrofia cardíaca patológica ocorre em diferentes condições, como estenose aórtica, infarto do miocárdio, hipertensão arterial sistêmica e doença valvar cardíaca (ROHINI et al., 2010). A hipertrofia cardíaca patológica preserva temporariamente a função miocárdica e reduz o estresse da parede ventricular, mas quando prolongada leva ao aparecimento de arritmias cardíacas e cardiomiopatia dilatada, insuficiência cardíaca e morte súbita (PARK et al., 2016).

Múltiplos mecanismos podem contribuir para o desenvolvimento de hipertrofia patológica, que apresentam relação com a carga hemodinâmica imposta ao coração com tensão e deformação dos cardiomiócitos, proliferação de fibroblastos e deposição de matriz extracelular pela modificação dos mecanismos de sinalização intracelular (HUTCHINSON et al., 2015), alterações do citoesqueleto e canais iônicos sensíveis ao estiramento (EHLER, 2016). Estimulação simpática com liberação de noradrenalina e produção local de fatores endócrinos como o fator de crescimento de fibroblastos e endotelina-1 são produzidos no miocárdio em situações de sobrecarga hemodinâmica, e também fatores neuro-endócrinos contribuem para o desenvolvimento da hipertrofia cardíaca (TOUCHBERRY et al., 2013; WANG et al., 2014; SUBEDI et al., 2017).

Transdução mecano-bioquímica de sinais na hipertrofia das células cardíacas

Durante a transdução mecano-bioquímica o citoesqueleto transmite potência e tensão as estruturas intracelulares e mobiliza em sua estrutura moléculas sinalizadoras, fornecendo a base física para a transdução do sinal mecânico em sinal bioquímico. O citoesqueleto tem acoplamento funcional e estrutural com a matriz extracelular através das integrinas e com outras células através de caderinas e anexinas (BURRIDGE, CHRZANOWSKA-WODNICKA, 1996). A agregação das integrinas leva ao aumento da fosforilação das enzimas Src e Fak e ao recrutamento de proteínas sinalizadoras celulares pela malha de actina. Após a fosforilação, resíduos de tirosina de Fak adicionais são fosforilados por ligação a Src a Fak, que ativa a via de crescimento Ras/Erk1/2 (SCHLAEPFER, HUNTER, 1997).

A distorção do canal iônico causada pelo estímulo mecânico inicia fenômenos elétricos como despolarização ou hiperpolarização da membrana celular, onde a entrada de Ca2+ através de canais não seletivos despolariza a membrana e induz a liberação de Ca2+ induzida pelo Ca2+ e a ativação de proteínas de ligação do Ca2+, como a calmodulina. O estímulo mecânico também afeta canais iônicos como os canais K+-ATP (VAN WAGONER, 1993), canal de K+ retificador de corrente (SASAKI, MITSUIYE, NOMA, 1992), canais de Cl- (HAGIWARA et al., 1992), canais de Ca2+ (MATSUDA et al., 1996) e bomba de Na+/K+ (SASAKI et al., 1994). Esses canais sensíveis ao estiramento podem interagir com o citoesqueleto, estimulando a produção e secreção de substâncias que podem mediar a hipertrofia, como a angiotensina II (HARADA et al., 1998), endotelina-1 (BOGOYEVITCH et al., 1994) e o fator de crescimento de fibroblastos (HARDER et al., 1996).

Sinais intracelulares envolvidos na hipertrofia das células cardíacas

Mecanismos de membrana ativados por estímulos mecânicos, parácrinos/autócrinos ativam diferentes vias de sinalização como proteínas de ligação do GTP, quinases ativadas por mitógenos e quinase II dependente de Ca2+/calmodulina (CaMKII) que ativam fatores de transcrição responsáveis pela regulação da expressão gênica (ANDERSON, BROWN, BERS, 2012). Além disso, participam da hipertrofica cardíaca a aldosterona (MATSUMURA et al., 2006), angiotensina II e endotelina-1 (YAYAMA et al., 2004).

As famílias de receptores que transmitem sinais através da ativação de proteínas G desempenham papel importante nas células do sistema cardiovascular, estando

implicados na resistência arterial periférica, taxa e força de contração miocárdica (WHEELER-JONES, 2005). Os receptores acoplados a proteína G (GPCRs) estão envolvidos na função cardiovascular normal e respondem a angiotensina II, endotelina-1, epinefrina e norepinefrina, que promovem o crescimento dos cardiomiócitos, estimulam a proliferação das células musculares lisas vasculares e modificam a função das células endoteliais, contribuindo para a hipertrofia cardíaca (CABRERA-VERA et al., 2003).

A aldosterona atua como indutor de aumento da expressão do RNA mensageiro do peptídeo atrial natriurético, da ativação da fosfolipase C e expressão de cardiotropina-1 (MOHAMMED et al., 2010). A angiotensina II e a endotelina-1 se ligam aos GPCRs, ativando a proteína quinase ativada por mitógenos (MPK) com produção de IP3, aumento da concentração intracelular de Ca2+, AMPc e modulação da contração celular cardíaca (GUTKIND, 1998).

A quinase II dependente de Ca2+/calmodulina (CaMKII) é uma serina/treonina quinase que fosforila proteínas miocárdicas envolvidas no transporte de Ca2+, como RyR, SERCA e canais de voltagem dependentes de Ca2+ do tipo L. A alteração na homeostase do Ca2+ com redução da expressão da SERCA causa menor recaptação de Ca2+ para o retículo sarcoplasmático durante a fase diastólica, dificultando o relaxamento cardíaco, levando a maior extrusão de Ca2+ para o meio extracelular pelo trocador Na+/Ca2+, reduzindo o armazenamento intracelular e eficiência contrátil dos cardiomiócitos (SHANNON, POGWIZD, BERS, 2003).

Alterações na homeostase do Ca2+ ativam a calcineurina prejudicando a atividade da SERCA, que recaptura o Ca2+ para o retículo sarcoplasmático (SANTANA et al., 2002). A calcineurina ativada pelo sistema Ca2+-calmodulina desfosforila o ativador do fator de transcrição nuclear T que se transloca para o núcleo e interage com o GATA-4, um regulador dos genes cardíacos associados ao remodelamento cardíaco na insuficiência cardíaca. Isso causa a re-expressão de genes com expressão na vida fetal, como a cadeia pesada da β -miosina, receptor de angiotensina tipo 1A e peptídeo natriurético atrial, favorecendo a hipertrofia cardíaca (SHIMIZU, MINAMINO, 2016).

A estimulação beta-adrenérgica ativa a via PI3K/AKT que também induz a hipertrofia miocárdica e fibrose intersticial, mediada pela proteína alvo da rapamicina em mamíferos (mTOR) e glicogênio sintase quinase 3 (GSK3 β), promovendo aumento da concentração do Ca2+ intracelular com alteração na atividade dos canais iônicos da membrana plasmática, influxo/efluxo de íons e diminuição do limiar do potencial de ação (MCMULLEN JR et al., 2004; ZHAI et al., 2007).

CONSIDERAÇÕES

A manutenção da sinalização intracelular fisiológica nas células cardíacas é fundamental para a contração das células cardíacas, mas a sobrecarga cardiovascular leva a reativação de genes expressos no período fetal e a estimulação de sua tradução, com alteração da síntese de proteínas contráteis da unidade sarcomérica e do volume celular, levando a hipertrofia.

REFERÊNCIAS

ABU-OMAR, N.; et al., Neuronal ryanodine receptors in development and aging. Mol Neurobiol. v.55, n.2, p.1183-1192, 2018.

ALMAGOR, L.; et al., The role of a voltage-dependent Ca2+ channel intracellular linker: a structure-function analysis. J Neurosci. v.32, n.22, p.7602-7613, 2012.

ANDERSON, M.E.; BROWN, J.H.; BERS, D.M. CaMKII in myocardial hypertrophy and heart failure. J Mol Cell Cardiol. v.51, p.468-473, 2012.

BERGMANN, 0.; et al., Evidence for cardiomyocyte renewal in humans. Science. v.324, p.98-102, 2010.

BERNARDO, B.C.; et al., Molecular distinction between physiological and pathological cardiac hypertrophy: experimental findings and therapeutic strategies. Pharmacol Ther. v.128, p.191-227, 2010.

BERS, D.M. Calcium cycling and signaling in cardiac myocytes. Ann Rev Physiol. v.70, p.23-49, 2008.

BHUPATHY, P.; BABU, G.J.; PERIASAMY, M. Sarcolipin and phospholamban as regulators of cardiac sarcoplasmic reticulum Ca2+ ATPase. J Mol Cel Cardiol. v.42, p.903-911, 2007.

BOGOYEVITCH, M.A.; et al., Endothelin-1 and fibroblast growth factors stimulate the mitogen-activated protein kinase signaling cascade in cardiac myocytes. The potential role of the cascade in the integration of two signaling pathways leading to myocyte hypertrophy. J Biol Chem. v.269, p.1110-1119, 1994.

BRINI. M.; et al., The plasma membrane calcium pump in health and disease. FEBS J. v.280, n.21, p.5385-5397, 2013.

BURRIDGE, K.; CHRZANOWSKA-WODNICKA, M. Focal adhesions, contractility, and signaling. Annu Rev Cell Dev Biol v.12, p.463-519, 1996.

CABRERA-VERA, T.M.; et al., Insights into G protein structure, function, and regulation. Endocr Rev. v.24, p.765-781, 2003.

CARICATI-NETO, A.; et al., Recent advances in pharmacological and non-pharmacological strategies of cardioprotection. Int J Mol Sci. v.20, n.16, p.1-24, 2019.

CHATTERGOON, N.N.; et al., Thyroid hormone drives fetal cardiomyocyte maturation. FASEB. v.26, p.397-408, 2012.

CHRISTEL, C.; LEE, A. Ca2+-dependent modulation of voltage-gated Ca2+ channels. Biochim Biophys Acta. v.1820, n.8, p.1243-1252, 2012.

COPENHAVER, P.F.; KÖGEL, D. Role of APP interactions with heterotrimeric G proteins: physiological functions and pathological consequences. Front Mol Neurosci. 2017; 10:3. doi: 10.3389/fnmol.2017.00003.

DECROCK, E.; et al., Calcium, oxidative stress and connexin channels, a harmonious orchestra directing the response to radiotherapy treatment? Biochim Biophys Acta. v.1864, n.6, p.1099-1120, 2017.

DULHUNTY, A.F. Excitation-contraction coupling from the 1950s into the new millennium. Clin Exp Pharmacol Physiol. v.33, p. 763-772, 2006.

EHLER, E. Cardiac cytoarchiteture-why the "hardware" is importante for heart function! Biochim Biophys Acta. v.1863, p.1857-1863, 2016.

GIRAUD, G.D.; et al., Cortisol stimulates cell cycle activity in the cardiomyocyte of the sheep fetus. Endocrinol v.147, p.3643-3649, 2006.

GIRAUD, G.D.; et al., Intravascular infusions of plasma into fetal sheep cause arterial and venous hypertension. J Appl Physiol. v.99, p.884-889, 2005.

GRABAREK, Z. Structure of a trapped intermediate of calmodulin: calcium regulation of EF-hand proteins from a new perspective. J Mol Biol. v.346, n.5, p.1351-1366, 2005.

GUTKIND, J.S. The pathways connecting G protein-coupled receptors to the nucleus through divergent mitogen-activated protein kinase cascades. J Biol Chemist. v.273, p.1839-1842, 1998.

HAGIWARA, N.; et al., Stretch-activated anion currents of rabbit cardiac myocytes. J Physiol. v.456, p.285-302, 1992.

HARADA, K.; et al., Pressure overload induces cardiac hypertrophy in angiotensin II type 1A receptor knockout mice. Circulation. v.97, p.1952-1959, 1998.

HARDER, B.A.; et al., Influence of fibroblast growth factor (bFGF) and insulin-like growth factor (IGF-I) on cytoskeletal and contractile structures and on atrial natriuretic factor (ANF) expression in adult rat ventricular cardiomyocytes in culture. J Mol Cell Cardiol. v.28, p.19-31, 1996.

HAUACHE, O.M. Extracellular calcium-sensing receptor: structural and functional features and association with diseases. Braz J Med Biol Res. v.34, n.5, p.577-584, 2001.

HOHENDANNER, F.; MAXWELL, J.T.; BLATTER, L.A. Cytosolic and nuclear calcium signaling in atrial myocytes: IP3-mediated calcium release and the role of mitochondria. Channels. v.9, n.3, p.129-138, 2015.

HUTCHINSON, K.R.; et al.; Increased myocardial stiffness due to cardiac titin isoform switching in a mouse model of volume overload limits eccentric remodeling. J Mol Cell Cardiol. v.79, p.104-114, 2015.

KAJSTURA, J.; et al., Myocyte turnover in the aging human heart. Circ Res. v.107, p.1374-1386, 2010.

KAMER, J.K.; MOOTHA, V.K. The molecular era of the mitochondrial calcium uniporter. Nature Rev Mol Cell Biol. v.16, n.9, p.545-553, 2015.

KHO, C.; LEE, A.; HAJJAR, R.J. Altered sarcoplasmic reticulum calcium cycling-targets for heart failure therapy. Nature Rev Cardiol. v.9, n.12, p.717-733, 2012.

LIAO, J.; et al., Structural insight into the ion-exchange mechanism of the sodium/calcium exchanger. Science. v.335, n.6069, p.686-690, 2012.

MAILLET, M.; VAN BERLO, J.H.; MOLKENTIN, J.D. Molecular basis of physiological heart growth: fundamental concepts and new players. Nat Rev Mol Cell Biol. v.14, p.38-48, 2013.

MALAN, D.; FLEISCHMANN, B.K. Functional expression and modulation of the L-type Ca2+current in embryonic heart cells. Pediatr Cardiol. v.33, n.6, p.907-915, 2012.

MATSUDA, N.; et al., Enhancement of the L-type Ca2+ current by mechanical stimulation in single rabbit cardiac myocytes. Circ Res. v.78, p.650-659, 1996.

MATSUMURA, K.; et al., Role of aldosterone in left ventricular hypertrophy in hypertension. Am J Hypertens. v.19, n.1, p.13-18, 2006.

MCMULLEN JR, et al., Inhibition of mTOR signaling with rapamycin regresses established cardiac hypertrophy induced by pressure overload. Circulation. v.109, p.3050-3055, 2004.

MILL, J.G.; VASSALLO, D.V. Cardiac hypertrophy. Rev Bras Hiperten. v.8, n.1, p.63-75, 2001.

MISHRA, J.; et al., The mitochondrial Ca²⁺ uniporter: structure, function, and pharmacology. Handb Exp Pharmacol. v.240, p.129-156, 2017.

MOHAMMED SF, et al., Mineralocorticoid accelerates transition to heart failure with preserved ejection fraction via "nongenomic effects". Circulation. v.122, n.4, p.370-378, 2010.

O'TIERNEY, P.F.; et al., Atrial natriuretic peptide inhibits angiotensin II-stimulated proliferation in fetal cardiomyocytes. J Physiol. v.588, p.2879-2889, 2010a.

O'TIERNEY, P.F.; et al., Reduced systolic pressure load decreases cell-cycle activity in the fetal sheep heart. Am J Physiol Regul Integr Comp Physiol. v.299, p.R573-R578, 2010b.

PARK, K.M.; et al., Atrila fibrillation in hypertrophic cardiomyopathy: is the extent of septal hypertrophy important? Plos One. v.11, n.6, p.e0156410, 2016.

PEERS, C.; ELIES, J.; GAMPER, N. Novel ways to regulate T-type Ca2+ channels. Channels. v.9, n.2, p.68-69, 2015.

PERIASAMY, M.; BHUPATHY, P.; BABU, G.J. Regulation of sarcoplasmic reticulum Ca2+ ATPase pump expression and its relevance to cardiac muscle physiology and pathology. Cardiovasc Res. v.77, p.265-273, 2008.

PETROU, T.; et al., Intracellular calcium mobilization in response to ion channel regulators via a calcium-induced calcium release mechamism. J Pharmacol Exp Ther. v.360, n.2, p.378-387, 2017.

REN, X.; PHILIPSON, K.D. The topology of the cardiac Na+/Ca2+ exchanger, NCX1. J Mol Cel Cardiol. v.57, p.68-71, 2013.

ROHINI, A.; et al., Molecular targets and regulators of cardiac hypertrophy. Pharmacol Res. v.61, p.269-280, 2010.

SANTANA, L.F.; et al., Functional clouping of calcineurin and protein kinase A in mouse ventricular myocytes. J Physiol. v.544, p.57-69, 2002.

SASAKI, N.; et al., Increase of the delayed rectifier KC and Na(C)-KC pump currents by hypotonic solutions in guinea pig cardiac myocytes. Circ Res. v.75, p.887-895, 1994.

SASAKI, N.; MITSUIYE, T.; NOMA, A. Effects of mechanical stretch on membrane currents of single ventricular myocytes of guinea-pig heart. Jpn J Physiol. v.42, p.957-970, 1992.

SATO, D.; SHANNON, T.R.; BERS, D.M. Sarcoplasmic reticulum structure and functional properties that promote long-lasting calcium sparks. Biophys J. v.110, n.2, p.382-390, 2016.

SCHLAEPFER, D.D.; HUNTER, T. Focal adhesion kinase overexpression enhances Rasdependent integrin signaling to Erk2/mitogen-activated protein kinase through interactions with and activation of c-Src. J Biol Chem. v.272, p.13189-13195, 1997.

SHANNON, T.R.; POGWIZD, S.M.; BERS, D.M. Evelated sarcoplasmic reticulum Ca2+ leak in intact ventricular myocytes from rabbits in heart failure. Circ Res. v.93, p.592-594, 2003.

SHATTOCK, M.J.; et al., Na+/Ca2+ exchange and Na+/K+-ATPase in the heart. J Physiol. v.593, n.6, p.1361-1382, 2015.

SHIMIZU, I.; MINAMINO, T. Physiological and pathological cardiac hypertrophy. J Mol Cell Cardiol. v.97, p.245-262, 2016.

SMILJIC, S.; NESROROVIC, V.; SAVIC, S. Modulatory role of nitric oxide in cardiac performance. Med Pregl. v.67, n.9-10, p.345-352, 2014.

SUBEDI, K.P.; et al., Signaling pathway for endothelin-1 and phenylephrine-induced cAMP response element binding protein activation in rat ventricular myocytes: role of inositol 1,4,5-triphosphate receptors and CaMKII. Cell Physiol Biochem. v.41, n.1, p.399-412, 2017.

SUNDGREN, N.C.; et al., Angiotensin II stimulates hyperplasia but not hypertrophy in immature ovine cardiomyocytes. J Physiol. v.548, p.881-891, 2003.

TADA. M.; KATZ, A.M. Phosphorylation of the sarcoplasmic reticulum and sarcolemma. Ann Rev Physiol. v.44, p.401-423, 1982.

THORNBURG, K.; et al., Regulation of the cardiomyocyte population in the developing heart. Prog Biophys Mol Biol. v.106, p.289-289, 2011.

TOUCHBERRY, C.D.; et al., FGF23 is a novel regulator of intracellular calcium and cardiac contractility in addition to cardiac hypertrophy. Am J Physiol Endocrinol Metab. v.304, n.8, p.E863-E873, 2013.

VAN WAGONER, D.R. Mechanosensitive gating of atrial ATP-sensitive potassium channels. Circ Res. v.72, .973-983, 1993.

WANG, H.J.; et al., Cardiac sympathetic afferent denervation attenues cardiac remodeling and improves cardiovascular dysfunction in rats with heart failure. Hypertension. v.64, n.4, p.745-755, 2014.

WANG, Y.; et al., Extracellular renalase protects cells and organs by outside in signalling. J Cell Mol Med. v.21, n.7, p.1260-1265, 2017.

WHEELER-JONES, C.P.D. Cell signaling in the cardiovascular system: an overview. Heart. v.91, p.1366-1374, 2005.

YAYAMA, K.; et al., Up-regulation of angiotensin II type 2 receptor in rat thoracic aorta by pressure-overload. J Pharmacol Exp Therap. v.308, p.736-743, 2004.

ZHAI, P.; et al., Glycogen synthase kinase-3alpha reduces cardiac growth and pressure overload-induced cardiac hypertrophy by inhibition of extracellular signal-regulated kinases. J Biol Chem. v.282, p.33181-33191, 2007.

ZHANG, Y.; SCOUMANNE, A.; CHEN, X. G Protein-coupled receptor 87: a promising opportunity for cancer drug discovery. Mol Cell Pharmacol. v.2, p.111-116, 2010.